



PLEC DE PRESCRIPCIONS TÈCNiques DEL CONTRACTE DE SERVEIS DE SEQÜENCIACIÓ SAGE I ANÀLISIS TRANSCRIPTÒMIC, DESTINAT AL GRUP DE RECERCA DE NEUROIMMUNOLOGIA CLÍNICA DE LA FUNDACIÓ HOSPITAL UNIVERSITARI VALL HEBRON- INSTITUT DE RECERCA A ADJUDICAR MITJANÇANT PROCEDIMENT OBERT.

Cofinançat per el "Fondo Europeo de Desarrollo Regional" (FEDER).



2012-014 SERVEIS GENÒMICS

Pressupost màxim de licitació:

El pressupost total màxim per aquesta licitació, és de "VUITANTA MIL EUROS" (80.000'00€), més "SETZE MIL VUIT-CENTS EUROS" (16.800'00€) d'IVA, el que fa un total de "NORANTASIS MIL VUIT-CENTS EUROS" (96.800'00€).

1. OBJECTE DE LA CONTRACTACIÓ.

L'objecte d'aquesta licitació és la prestació de serveis de material de seqüenciació SAGE i anàlisis TRANSCRIPTÒMIC, destinat al Grup de Recerca de Neuroimmunologia Clínica de la Fundació Hospital Universitari Vall Hebron- Institut de Recerca, a càrrec del projecte:

- Búsqueda de biomarcadores en esclerosis múltiple basada en perfiles de expresión génica mediante ultrasecuenciación; beca del Fondo de Investigación Sanitaria - FIS P110/02099).

Per poder-ho dur a terme, serà necessari fer una seqüenciació de 60 transcriptomes d'ésser humà amb una cobertura mínima de 50 milions de lectura en ambdós casos.

Especificacions tècniques de la plataforma de seqüenciació:

- Plataforma de seqüenciació amb sistema SOLID 5500
- Sistema robust amb una precisió del 99.9 % i una potència de fins a 15 Gb/dia.
- Disponibilitat per a utilitzar lans independents i FlowChiplane.

L'anàlisi bioinformàtic ha d'incloure un estudi d'interpretació funcional del conjunt de transcrits diferencialment expressats que integra tècniques avançades de Biologia de Sistemes juntament amb altres mètodes tradicionals d'anàlisis com l'enriquiment funcional o mètodes de clustering per a facilitar la interpretació dels resultats, com:

- Anàlisis de qualitat de les lectures.
- Mapeig de les lectures davant un genoma de referència de l'espècie en estudi o ensamblatge 'de novo' de les lectures (en cas de no existir seqüència de referència).
- Identificació de les zones transcrites. Anotació d'isoformes conegudes i predicció de gens/isoformes noves presents en la mostra (en el caso d'anàlisis transcriptòmic).



- Quantificació de la expressió gènica.
- Anàlisi de l'expressió diferencial entre diferents grups de mostres.
- Identificació de funcions enriquidores.
- Estudis de clustering.
- Identificació de xarxes de co-expressió

L'informe que es generi haurà d'incloure:

- Un informe personalitzat orientat als problemes concrets de l'estudi sol.licitat.

Condicions generals:

- No s'admetran subcontractacions alguna en el procés global de seqüenciació.
- L'entitat seleccionada per a desenvolupar aquestes activitats de seqüenciació seran poseedores de la qualificació N1C.
- Disposar d'una assegurança de risc professional per mes de 1M€.
- Disposar d'un sistema de gestió de la qualitat d'acord amb la normativa UNE-EN ISO 9001 per a la seqüenciació d'ADN.

2. DURADA DEL CONTRACTE

El període per a la realització d'aquest treball de forma aproximada es preveu que finalitzarà el 31 de desembre de 2013, però donat que aquest projecte estarà subjecte a la sol.licitud d'una possible pròrroga, la data de finalització serà susceptible a ser ampliada a, com a màxim la que sigui finalment autoritzada.

3. LLOC

L'Adjudicatari haurà de prestar el servei objecte de la present licitació al Projecte **2012-696 PI10/02099** del Dr. Montalban, provinent del Grup de Recerca de Neuroimmunologia Clínica situat al Lab. N° 114, Planta primera de l'Edifici Mediterrani..

ALTRES ASPECTES A VALORAR SERÀ:

- L'Experiència prèvia en la prestació de serveis similars als que es requereixen en l'objecte d'aquesta licitació.
- Caldrà adjuntar una relació dels serveis que han prestat en els últims 2 anys, expressant el tipus de servei, l'import i el centre on l'han dut a terme.

Barcelona, a 16 de novembre de 2012.